

5' CAG AAA CAG AAC TGC CTG TGA CAG ATT AAG AGA CAA GCA AGG CTT GGA ATC TGA 54  
 9 18 27 36 45

GAG CAA GCA AAG AGA GTG GAA ATT TAC AGC TGC CTT ATC ATT CCA TAT TGG AAG 108  
 63 72 81 90 99

AAG AGA TTT CTA CAC ATG AAA AAA ATG CCT TTG TTT AGT AAA TCA CAC AAA AAT 162  
 117 126 135 144 153 162  
 M K K M P L F S K S H K N

CCA GCA GAA ATT GTG AAA ATC CTG AAA GAC AAT TTG GCC ATT TTG GAA AAG CAA 216  
 171 180 189 198 207 216  
 P A E I V K I L K D N L A I L E K Q

GAC AAA AAG ACA GAC AAG GCT TCA GAA GAA GTG TCT AAA TCA CTG CAA GCA ATG 270  
 225 234 243 252 261 270  
 D K K T D K A S E E V S K S L Q A M

AAA GAA ATT CTG TGT GGT ACA AAC GAG AAA GAA CCC CCG ACA GAA GCA GTG GCT 324  
 279 288 297 306 315 324  
 K E I L C G T N E K E P P T E A V A

CAG CTA GCA CAA GAA CTC TAC AGC AGT GGC CTG CTG GTG ACA CTG ATA GCT GAC 378  
 333 342 351 360 369 378  
 Q L A Q E L Y S S G L L L V T L I A D

FIGURE 1A

387 CTG CAG CTG ATA GAC TTT GAG GGA AAA AAA GAT GTG ACC CAG ATA TTT AAC AAC 432  
L Q L I D F E G K K K K D V T Q I F N N

441 ATC TTG AGA AGA CAG ATA GGC ACT CGG AGT CCT ACT GTG GAG TAT ATT AGT GCT 486  
I L R R Q I G T R S P T V E Y I S A

495 CAT CCT CAT ATC CTG TTT ATG CTC CTC AAA GGA TAT GAA GCC CCA CAG ATT GCC 540  
H P H I L F M L L L K G Y E A P Q I A

549 TTA CGT TGT GGG ATT ATG CTG AGA GAA TGT ATT CGA CAT GAA CCA CTT GCC AAA 594  
L R C G I M L R E C I R H E P L A K

603 ATC ATC CTC TTT TCT AAT CAA TTC AGA GAT TTC TTT AAG TAC GTG GAG TTG TCA 648  
I I L F S N Q F R D F F F K Y V E L S

657 ACA TTT GAT ATT GCT TCA GAT GCC TTT GCT ACT TTC AAG GAT TTA CTA ACC AGA 702  
T F D I A S D A F A T F K D L L T R

711 CAT AAA GTG TTG GTA GCA GAC TTC TTA GAA CAA AAT TAC GAC ACT ATT TTT GAA 756  
H K V L V A D F L E Q N Y D T I F E

FIGURE 1B

765 774 783 792 801 810  
GAC TAT GAG AAA TTG CTT CAG TCT GAG AAT TAT GTT ACT AAG AGA CAG TCT TTA  
D Y E K L L Q S E N Y V T K R Q S L

819 828 837 846 855 864  
AAG CTG CTA GGG GAG CTG ATC CTG GAC CGT CAC AAC TTT GCC ATC ATG ACA AAG  
K L L G E L I L D R H N F A I M T K

873 882 891 900 909 918  
TAT ATC AGC AAG CCG GAG AAC CTG AAA CTC ATG ATG AAC CTC CTT CGG GAT AAA  
Y I S K P E N L K L M M N L L R D K

927 936 945 954 963 972  
AGT CCC AAC ATC CAG TTT GAA GCC TTT CAT GTT TTT AAG GTG TTT GTG GCC AGT  
S P N I Q F E A F H V F K V F V A S

981 990 999 1008 1017 1026  
CCT CAC AAA ACA CAG CCT ATT GTG GAG ATC CTG TTA AAA AAT CAG CCC AAA CTC  
P H K T Q P I V E I L L K N Q P K L

1035 1044 1053 1062 1071 1080  
ATT GAG TTT CTG AGC AGC TTC CAA AAA GAA AGG ACG GAT GAT GAG CAG TTC GCT  
I E F L S S F Q K E R T D D E Q F A

1089 1098 1107 1116 1125 1134  
GAC GAG AAG AAC TAC TTG ATT AAA CAG ATC CGA GAC TTG AAG AAA ACG GCC CCT  
D E K N Y L I K Q I R D L K K T A P

FIGURE 1C

1143	1152	1161	1170	1179	1188
TGA AGA GCT CCC CGG CCC CTG TCA CAG TCA GTC GTC TCA TTT GTC CAG TTT GTA					
1197	1206	1215	1224	1233	1242
CAG TGT GTC ATT TCA GAA AGT CAT CAT TCT TGG GAA GAC TTT GGA GGT GCC TAT					
1251	1260	1269	1278	1287	1296
TTT TTC TGC TGT AAT TGT TCT GGG TAG ATG GAG TAT AAA CAT TTG AAT GGA AAA					
1305	1314	1323	1332	1341	
AAA TTA ACC TAG AAT AAT ATA TTC ATT TTA GTC AAA AAA AAA AAA AAA 3'					

FIGURE 1D

1	M K K M P L F S K S H K N P A E I V K I L K D N L A I L E K	- - - - -	- - - - -	- - - - -	hCBP
1	M P - F P P - F G K S H K K S P A D I V K K N L K K E S M A V L E K	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g262934
1	M - - - P L F F G K S Q K S P P V E L V K S L K E A I N A L E A	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1794137
1	M P L - - L F F G K S H K K S P A D V V K T L R E V L T I L D K L P P P K L D K D G	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1255838
31	Q D - - - K K T D K A S E E V S K S L Q A M K E I L C G T N E K E P P T E	- - - - -	- - - - -	- - - - -	hCBP
29	Q D - - - K K A E K A T E E V S K K N L V A M K E I L Y G T N E K E P Q T E	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g262934
28	- - - G D R K V E K A Q E D V S K K N L V S I K N M L L H G S S D A E P P A D Y V V	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1794137
39	N I Q S D K K Y D K A L D E V S K N V A M I K S F I Y G G N D S A E P S S E H V V	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1255838
67	- - - A Q L A Q E L Y S S G L L V T L I A D L Q L I D F E G K K D V T Q I F N N I	- - - - -	- - - - -	- - - - -	hCBP
68	- - - A Q L A Q E L Y N S G L L G T L V A D L Q L I D F E G K K D V A Q I F N N I	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g262934
65	- - - A Q L S Q E L Y N S N L L L L I Q N L H R I D F E G K K H V A L I F N N L	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1794137
79	Q V A Q L A Q E V Y N A N I L P M L I K M L P K F F E C K K D V G Q I F N N L	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1255838
105	L R R Q I G T R S P T V E Y I S A H P H I L F M L L K G Y E A	- - - - -	- - - - -	- - - - -	hCBP
106	L R R Q I G T R T P T V E Y I C T Q Q N I L F M L L K G Y E S	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g262934
103	L R R Q I G T R S P T V E Y I C T K P E I L F T L M A G Y E D A H P E I A L N S	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1794137
119	L R R Q I G T R S P T V E Y L G A R P E I L I Q L V Q G Y - - S V P D I A L T C	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1255838
143	G I M L R E C I R H E P L A K I I L F S N Q F R D F F K Y V E L S T F F D I A S D	- - - - -	- - - - -	- - - - -	hCBP
144	G I M L R E C I R H E P L A K I I L W S E Q F F Y D F F R Y V E E M S T F F D I A S D	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g262934
143	G T M L R E C A R Y E A L A K I M L L H S S D E F F F F Y V E V S T F F D I A S D	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1794137
157	G L M L R E S I R H D H L A K I I L Y S S D V F F Y T F F F Y V Q S E V F F D I S S D	- - - - -	- - - - -	- - - - -	g1255838

FIGURE 2A

183	A	F	A	T	F	K	D	L	L	T	R	H	K	V	L	V	A	D	F	L	E	Q	N	Y	D	T	I	F	E	D	-	Y	E	K	L	L	Q	S	E	N	hCBP
184	A	F	A	T	F	K	D	L	L	T	R	H	K	L	L	S	A	E	F	L	E	Q	H	Y	D	R	F	F	S	E	-	Y	E	K	L	L	H	S	E	N	g262934
183	A	F	S	T	F	K	E	L	L	T	R	H	K	L	L	C	A	E	F	L	D	A	N	Y	D	K	F	F	S	Q	H	Y	Q	R	L	L	N	S	E	N	g1794137
197	A	F	S	T	F	K	E	L	L	T	R	H	K	A	I	I	A	E	F	L	D	S	N	Y	D	T	F	F	A	Q	-	Y	Q	N	L	L	N	S	K	N	g1255838
222	Y	V	T	K	R	Q	S	L	K	L	L	G	E	L	I	L	D	R	H	N	F	A	I	M	T	K	Y	I	S	K	P	E	N	L	K	L	M	M	N	L	hCBP
223	Y	V	T	K	R	Q	S	L	K	L	L	G	E	L	L	L	D	R	H	N	F	T	I	M	T	K	Y	I	S	K	P	E	N	L	K	L	M	M	N	L	g262934
223	Y	V	T	R	R	Q	S	L	K	L	L	G	E	L	L	L	D	R	H	N	F	T	V	M	T	R	Y	I	S	E	P	E	N	L	K	L	M	M	N	M	g1794137
236	Y	V	T	R	R	Q	S	L	K	L	L	G	E	L	L	L	D	R	H	N	F	T	M	T	K	Y	I	S	N	P	D	N	L	R	L	M	M	E	L	g1255838	
262	L	R	D	K	S	P	N	I	Q	F	E	A	F	H	V	F	K	V	F	V	A	S	P	H	K	T	Q	P	I	V	E	I	L	L	K	N	Q	P	K	L	hCBP
263	L	R	D	K	S	R	N	I	Q	F	E	A	F	H	V	F	K	V	F	V	A	N	P	N	K	T	Q	P	I	L	D	I	L	L	K	N	Q	T	K	L	g262934
263	L	K	E	K	S	R	N	I	Q	F	E	A	F	H	V	F	K	V	F	V	A	N	P	N	K	P	K	P	I	L	D	I	L	L	R	N	Q	T	K	L	g1794137
276	L	R	D	K	S	R	N	I	Q	Y	E	A	F	H	V	F	K	V	F	V	A	N	P	N	K	P	K	P	I	S	D	I	L	N	R	N	R	E	K	L	g1255838
302	I	E	F	L	S	S	F	Q	K	E	R	T	D	D	E	Q	F	A	D	E	K	N	Y	L	I	K	Q	I	R	D	L	K	K	T	A	-	-	-	-	hCBP	
303	I	E	F	L	S	K	F	Q	N	D	R	T	E	D	E	Q	F	N	D	E	K	T	Y	L	V	K	Q	I	R	N	L	K	R	A	A	Q	Q	E	-	g262934	
303	V	D	F	L	T	N	F	H	T	D	R	S	E	D	E	Q	F	N	D	E	K	A	Y	L	I	K	Q	I	K	E	L	K	P	L	P	-	-	-	g1794137		
316	V	E	F	L	S	E	F	H	N	D	R	T	D	D	E	Q	F	N	D	E	K	A	Y	L	I	K	Q	I	Q	E	M	K	S	S	P	K	E	A	K	g1255838	
337	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	hCBP			
341	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	g262934			
339	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	g1794137			
356	P	K	S	K	E	D	E	N	Q	E	P	A	G	P	S	E	G	P	S	T	S	Q	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	g1255838		

FIGURE 2B